

Dr. rer. nat. Linda Krause

seit 04/2019 **Wissenschaftliche Mitarbeiterin**, *Institut für Medizinische Biometrie und Epidemiologie*, Universitätsklinikum Hamburg-Eppendorf, Deutschland.

- Arbeitsgruppe "Medizinische Biometrie" unter der Leitung von Prof. Dr. Antonia Zapf
- Institutsleitung Prof. Dr. Heiko Becher
- Tätigkeitsschwerpunkte: methodische Forschung, klinische Studien, statistische Beratung

04/2014 - 01/2020 **Promotion zum Dr. rer. nat.**, *Technische Universität München*, Deutschland.

- Wissenschaftszentrum Weihenstephan für Ernährung, Landnutzung und Umwelt
- Doktorvater Prof. Dr. Dr. Fabian J. Theis
- Doktorarbeit: "Statistical data integration in translational medicine."

04/2014 - 03/2019 **Wissenschaftliche Mitarbeiterin**, *Institute of Computational Biology*, Helmholtz Zentrum München, Deutschland.

- Arbeitsgruppe "Computational Cell Maps" unter der Leitung von Dr. Nikola S. Mueller
- Institutsleitung Prof. Dr. Dr. Fabian J. Theis
- Tätigkeitsschwerpunkte: Anwendung statistischer und bioinformatischer Methoden zur Beantwortung medizinischer und biologischer Fragen, Analyse und Integrierten hochdimensionaler Daten (Genexpression, Proteomics, DNA Methylierung, FACS, klinische Daten)

10/2012 - 03/2014 **Wissenschaftliche Mitarbeiterin**, *Max Planck Institut für Evolutionsbiologie*, Plön, Deutschland.

- Arbeitsgruppe "Bioinformatik" unter der Leitung von Prof. Bernhard Haubold
- Tätigkeitsschwerpunkte: Analyse und Interpretation von NGS ChIP-Seq Daten, experimentelle Laborarbeit (ChIP-qPCR)

10/2011 - 01/2014 **M.Sc. Mathematik in Medizin und Lebenswissenschaften**, *Universität zu Lübeck*, Deutschland.

- Studienschwerpunkte: Mathematik, Informatik, Lebenswissenschaften (biophysikalische Chemie, Strukturbiologie)
- Masterarbeit am Max Planck Institut für Evolutionsbiologie betreut von Dr. Angelika Börsch-Haubold und Prof. Bernhard Haubold: "Quantitative epigenetische Analyse von Histonmodifikationen in Wildmäusen."

08/2010 - 01/2011 **Austauschstudentin**, *University of Oslo*, Norwegen.

10/2008 - 11/2011 **B.Sc. Computational Life Science**, *Universität zu Lübeck*, Deutschland.

- Studienschwerpunkte: Mathematik, Informatik, Lebenswissenschaften (Chemie, Biologie, Physik)
- Bachelorarbeit: "Prozessdefinition für die Auswertung klinischer Studien mit der Open-Source-Software R gemäß den Anforderungen der FDA."

Hamburg, 24.06.2020